

UNIVERSIDADE FEDERAL DE UBERLÂNDIA
INSTITUTO DE CIÊNCIAS AGRÁRIAS
CURSO DE AGRONOMIA

GUSTAVO HENRIQUE ALVES DOS SANTOS

**REGIÕES DE DESORDEM EM PROTEÍNAS DE POTYVÍRUS E SUA
RELAÇÃO COM RECOMBINAÇÃO GENÔMICA**

UBERLÂNDIA-MG

JULHO/2019

GUSTAVO HENRIQUE ALVES DOS SANTOS

**REGIÕES DE DESORDEM EM PROTEÍNAS DE POTYVÍRUS E SUA
RELAÇÃO COM RECOMBINAÇÃO GENÔMICA**

Trabalho de conclusão de curso apresentado ao curso de Agronomia, da Universidade Federal de Uberlândia, para obtenção do grau de Engenheiro Agrônomo.

Orientador: Prof. Dr. Alison Talis Martins Lima

UBERLÂNDIA-MG

JULHO/2019

GUSTAVO HENRIQUE ALVES DOS SANTOS

**REGIÕES DE DESORDEM EM PROTEÍNAS DE POTYVÍRUS E SUA
RELAÇÃO COM RECOMBINAÇÃO GENÔMICA**

Trabalho de conclusão de curso apresentado ao
curso de Agronomia, da Universidade Federal
de Uberlândia, para obtenção do grau de
Engenheiro Agrônomo.

Orientador: Prof. Dr. Alison Talis Martins Lima

Prof. Dr. Flávio Tetsuo Sasaki
Examinador

MSc. Ivair José de Moraes Júnior
Examinador

Prof. Dr. Alison Talis Martins Lima
Orientador

UBERLÂNDIA-MG

JULHO/2019

AGRADECIMENTOS

Aqui se conclui mais uma etapa de minha vida, mais um processo atingindo um ponto de plenitude. Por isto, devo agradecer ao Prof. Dr. Alison Talis Martins Lima, seu excelente acompanhamento durante toda essa minha caminhada, que serviu de inspiração profissional e pessoal, dando exemplo de responsabilidade, comprometimento e amizade. Por ele foi idealizado o grupo de estudos PROVIRUS onde também pude aprofundar meus conhecimentos sobre biotecnologia, virologia e encontrar companheiros nesta jornada do aprendizado.

Os agradecimentos também serão direcionados à empresa júnior CONTEAGRO, e seus membros. Pois durante minha passagem pela universidade, se fez presente em todos os momentos e propiciou um desenvolvimento pessoal, me fornecendo experiências que lapidaram meu relacionamento, além de despertar minha visão crítica e pensamento empreendedor acerca do agronegócio.

Além disto, agradeço aos meus pais, aqueles que contribuíram a todos os momentos e apoiaram cada decisão tomada. Seres que me aceitaram como filho e serão eternamente homenageados por mim. Por meio deles, eu tenho a oportunidade da vida e por meio deles, pude encontrar com meu Mestre, Dr. Celso Charuri que me mostrou um Novo Mundo e os princípios que o construirá.

RESUMO

A recombinação é um importante mecanismo evolutivo que contribui para os altos níveis de variabilidade genética em populações de vírus. O mecanismo refere-se à troca de segmentos de DNA ou RNA entre vírus distintos durante o ciclo de replicação no hospedeiro. A recombinação está frequentemente envolvida na emergência de vírus com novidades evolutivas, como a capacidade de infectar novos hospedeiros ou suplantar a resistência genética de plantas. Estudos sobre a evolução viral indicam que genomas de potyvírus apresentam propensão à ocorrência de recombinação, um fator que explica, pelo menos em parte, o elevado nível de variabilidade genética de suas populações. Porém, nenhum estudo correlacionou a maior propensão à recombinação em regiões codificadoras específicas dos genomas com as características bioquímicas e/ou estruturais de suas proteínas expressas. Sabe-se que os genomas virais codificam proteínas que não possuem uma estrutura tridimensional bem definida, as chamadas proteínas intrinsecamente desordenadas. Estas proteínas podem exercer diferentes funções durante a replicação viral e é possível identificar *in silico* regiões proteicas propensas à desordem. O objetivo deste estudo foi verificar se as regiões mais propensas à desordem nas proteínas virais se sobrepõem às regiões genômicas com maiores níveis de recombinação. Para isto, conjuntos de dados de espécies de potyvírus apresentando “hotspots” de recombinação foram obtidos a partir do Genbank. As proteínas codificadas pelos genomas virais foram analisadas para o nível de desordem intrínseca por meio do programa IUPred2a e os resultados foram comparados com aqueles provenientes de análises de detecção de recombinação de um estudo conduzido previamente. Os resultados obtidos neste estudo sugerem que não há colocalização estrita entre regiões proteicas de desordem intrínseca e “hotspots” de recombinação nos genomas de potyvírus.

Palavras-chave: Proteínas intrinsecamente desordenadas, evolução, recombinação, potyvírus

ABSTRACT

Recombination is an important evolutionary mechanism that contributes to the high levels of genetic variability in virus populations. The mechanism refers to the exchange of DNA or RNA segments between distinct viruses during the replication cycle in the host. Recombination is often involved in the emergence of viruses with evolutionary novelties, such as the ability to infect new hosts or overcome the genetic resistance of plants. Studies on virus evolution indicate that potyvirus genomes presents a recombination-prone nature, a factor that explains, at least in part, the high level of genetic variability of their populations. However, no study has correlated the high propensity to recombination in specific coding regions of their genomes with biochemical and/or structural features of their protein products. It is known that virus genomes encode proteins without a well-defined three-dimensional structure, the so-called intrinsically disordered proteins. These proteins may play different roles during virus replication and it is possible to identify *in silico* disorder-prone protein regions. The objective of this study was to verify if disorder-prone protein regions overlap to the genomic regions showing high levels of recombination. For this, potyvirus species data sets showing recombination hotspots were retrieved from Genbank. The proteins encoded by viral genomes were analyzed for intrinsic disorder levels using the program IUPred2a and the results were compared to those from recombination detection analyses from a previous study. The results obtained in this study suggested that there is no a strict collocalization between intrinsically disordered protein regions and recombination hotspots in genomes of potyviruses.

Keywords: Intrinsically disordered proteins, evolution, recombination, potyvirus

SUMÁRIO

1. INTRODUÇÃO.....	8
2. REVISÃO DE LITERATURA	9
2.1 O gênero <i>Potyvirus</i>	9
2.2 Evolução de vírus de RNA	10
2.3 Proteínas intrinsecamente desordenadas	11
3. METODOLOGIA.....	12
3.1 Obtenção de genomas de potyvírus e preparo dos conjuntos de dados.....	12
3.2 Alinhamentos múltiplos e obtenção de sequências consenso.....	12
3.3 Determinação da sequência genômica mais similar à sequência consenso.....	12
3.4 Estimativa <i>in silico</i> dos níveis de desordem intrínseca em proteína virais	13
4. RESULTADOS E DISCUSSÃO	14
4.1 Sobreposição de sítios de recombinação e regiões de desordem intrínseca em proteínas do TuMV.....	14
4.2 Sobreposição de sítios de recombinação e regiões de desordem intrínseca em proteínas do SCMV	14
4.3 Sobreposição de sítios de recombinação e regiões de desordem intrínseca em proteínas do PVY	15
5. CONCLUSÕES	17
6. REFERÊNCIAS	18

1. INTRODUÇÃO

A família *Potyviridae* é dividida em oito gêneros: *Brambivirus*, *Bymovirus*, *Ipomovirus*, *Macluravirus*, *Poacevirus*, *Potyvirus*, *Rymovirus* e *Tritimovirus*. Dentre estes, o gênero *Potyvirus* contém o maior número de espécies e causam grandes prejuízos em culturas de importância econômica. Os potyvírus possuem genomas de RNA de fita simples com aproximadamente 10.000 nucleotídeos e são encapsidados em partículas alongadas e flexuosas de 680 a 900 nm de comprimento (WYLIE et al., 2017).

Durante o processo de replicação, os genomas virais podem sofrer alterações, como mutações e recombinações. Estes mecanismos resultam no aumento da variabilidade genética da população que será submetida à seleção natural (ROOSSINCK, 1997, 2008). A recombinação é um mecanismo evolutivo caracterizado pela troca de segmentos de genomas de vírus durante infecções mistas. Sua ocorrência pode resultar em mudanças adaptativas do patógeno, tal como a ampliação de sua gama de hospedeiros ou até mesmo a suplantação da resistência genética de plantas (FENG et al., 2014). Diversas pesquisas têm sido conduzidas no sentido de se detectar sítios frequentes e não frequentes de recombinação em genomas de vírus que infectam plantas (DESBIEZ; LECOQ, 2004; LEFEUVRE et al., 2009; REVERS et al., 1996). Estudos acerca deste tema visam compreender melhor a evolução dos vírus para adoção de estratégias mais duráveis de resistência genética em condições de campo.

Após a penetração do potyvírus na célula vegetal, há a desencapsidação do genoma viral e a tradução do RNA viral em uma poliproteína de aproximadamente 345 KDa. Após a tradução, a poliproteína dá origem a aproximadamente 10 proteínas maduras por meio de autoproteólise. As proteínas virais então assumem conformações tridimensionais necessárias à execução de suas atividades biológicas (KING et al., 1996; WYLIE et al., 2017). Por outro lado, algumas proteínas virais podem, em condições naturais, não assumir uma conformação tridimensional bem definida, estática. Proteínas com estas características são chamadas de intrinsecamente desordenadas. Essas proteínas podem ter suas funções alteradas como consequência da mudança conformacional, atuando em outras etapas necessárias à infecção viral (TOMPA, 2005).

Esse trabalho buscou verificar se há sobreposição entre sequências virais codificadoras propensas à recombinação com regiões proteicas apresentando desordem intrínseca.

2. REVISÃO DE LITERATURA

2.1 O gênero *Potyvirus*

Vírus pertencentes ao gênero *Potyvirus* são responsáveis por grandes perdas agronômicas em todo o mundo. Este gênero é o mais numeroso da família *Potyviridae*, que conta ainda com outros sete gêneros (*Brambyvirus*, *Bymovirus*, *Ipomovirus*, *Macluravirus*, *Poacevirus*, *Rymovirus* e *Tritimovirus*) definidos de acordo com o número de segmentos genômicos, tipo de inseto vetor e relacionamento filogenético (KING et al., 1996; WYLIE et al., 2017).

Muitos potyvírus apresentam gama de hospedeiros restrita, como o *Sunflower chlorotic mottle virus* (MARITAN; GASPAR; CAMARGO, 2004), porém são também encontrados potyvírus que infectam diversas espécies de plantas pertencentes à várias famílias botânicas distintas (KING et al., 1996). Os potyvírus são transmitidos por afídeos de maneira não persistente, porém alguns são inefficientemente transmitidos por estes vetores como alguns isolados de *Tobacco vein mottling virus* (ATREYA; RACCAH; PIRONE, 1990). Os potyvírus também podem ser transmitidos via sementes infectadas. O *Zucchini yellow mosaic virus* (ZYMV) é transmitido de maneira não persistente por pulgões e também via sementes infectadas de abóbora (TÓBIÁS; PALKOVICS, 2003).

O genoma dos potyvírus é constituído por uma única fita simples de RNA com aproximadamente 10.000 nucleotídeos. Estes são encapsidados em partículas alongadas e flexuosas com comprimentos variando de 680 a 900 nm. O processo de tradução do genoma viral resulta em um poliproteína que, por meio de autoproteólise, gera aproximadamente dez proteínas maduras (P1, HC-Pro, P3, 6K1, CI, 6K2, VPg, NIa-Pro, NIb, CP), que atuarão em diferentes etapas do ciclo de infecção viral (WYLIE et al., 2017).

Das proteínas codificadas pelos potyvírus, a P1 é a menos conservada em termos de sequência primária e apresenta um papel relevante no processo de adaptação viral a novos hospedeiros (VALLI; LOPEZ-MOYA; GARCIA, 2007). A HC-Pro (Helper Component-Protease) atua na supressão do silenciamento gênico, movimento do vírus na planta e transmissão por afídeos. A proteína P3 participa da replicação viral e parece influenciar na gama de hospedeiros do vírus e no desenvolvimento de sintomas (KING et al., 1996; WYLIE et al., 2017).

A proteína CI possui atividade de helicase e se acumula na forma de inclusões no citoplasma das células infectadas. A 6K2 trata-se de uma pequena proteína responsável por ancorar o complexo de replicação ao retículo endoplasmático. A VPg é covalentemente ligada à extremidade 5' do genoma e exerce um importante papel durante a tradução do RNA viral, pois interage com uma ou várias isoformas do fator de iniciação da tradução eIF4E. A NIa-Pro é a principal protease codificada pelos genomas dos potyvírus e forma uma inclusão localizada no núcleo de células infectadas (ADAMS; ANTONIW; BEAUDOIN, 2005). A NIb também forma uma inclusão presente no núcleo de células infectadas e tem a função de RNA polimerase dependente de RNA (replicase viral). Por fim, a proteína CP é responsável pela encapsidação do genoma viral e também atua no movimento do vírus no interior da planta hospedeira (KING et al., 1996; WYLIE et al., 2017).

2.2 Evolução de vírus de RNA

A ocorrência de mudanças no genoma de um dado indivíduo pode ser vantajosa, resultando em uma maior capacidade adaptativa frente às adversidades impostas pelo ambiente. O rápido surgimento de novas variantes virais é resultado, principalmente, dos mecanismos de evolução denominados mutação e recombinação (ROOSSINCK, 2003, 2008). O mecanismo de mutação refere-se aos erros de incorporação de nucleotídeos no genoma viral durante o processo de replicação. A recombinação caracteriza-se pela troca de segmentos de genomas entre vírus distintos durante as infecções mistas (GARCIA-ARENAL; FRAILE; MALPICA, 2003; VALLI; LOPEZ-MOYA; GARCIA, 2007).

A recombinação em populações de potyvírus é responsável pelo aumento da variabilidade genética, pois gera novas combinações genômicas que podem ser mais adaptadas se comparadas aos genomas dos vírus parentais. As consequências da evolução viral por recombinação são relevantes para a população do hospedeiro, visto que podem envolver a suplantação da resistência genética de plantas ou mesmo na expansão da gama de hospedeiros (FENG et al., 2014; PADHI; RAMU, 2011). Um dos métodos de controle mais eficiente contra as viroses vegetais é o uso de variedades resistentes, porém a alta variabilidade das populações virais pode reduzir significativamente a durabilidade da resistência genética (HERRERA et al., 2018).

Trabalhos recentes indicam a existência de regiões nos genomas de diversos vírus que são naturalmente mais propensas à recombinação (“hotspots” de

recombinação). Por outro lado, há também regiões genômicas pouco propensas à ocorrência de recombinação (“coldspots” de recombinação) (LEFEUVRE et al., 2009).

2.3 Proteínas intrinsecamente desordenadas

As proteínas são formadas por um conjunto de aminoácidos unidos por ligações peptídicas durante o processo de tradução, onde posteriormente adotam uma conformação tridimensional definida. Proteínas que não possuem uma conformação tridimensional estável em condições naturais e biológicas são chamadas de proteínas intrinsecamente desordenadas (DYSON; WRIGHT, 2005).

Embora não haja uma conformação estática, estas proteínas possuem diversas funções fisiológicas e desempenham papéis fundamentais nos organismos. Estudos têm sido conduzidos com o intuito de se estimar os níveis de desordem intrínseca em proteínas codificadas por vírus (CHARON et al., 2016; WALTER et al., 2019).

O proteoma de vírus que possuem genomas de RNA, como os potyvírus, também inclui proteínas com regiões de desordem, principalmente na VPg, que está envolvida em interações entre o vírus e seu hospedeiro por meio do fator de iniciação da tradução da célula hospedeira (WALTER et al., 2019). Regiões intrinsecamente desordenadas em proteomas virais podem conferir vantagens biológicas, por conferir certa flexibilidade na estrutura proteica necessária para as interações entre as proteínas virais e com diferentes fatores do hospedeiro durante a infecção. Nesse contexto, avaliar regiões de proteínas intrinsecamente desordenadas pode auxiliar a entender melhor a interação vírus-hospedeiro (CHARON et al., 2016).

3. METODOLOGIA

3.1 Obtenção de genomas de potyvírus e preparo dos conjuntos de dados

Genomas completos de isolados representando três espécies distintas de potyvírus (*Turnip mosaic virus*, TuMV; *Sugarcane mosaic virus*, SCMV e *Potato virus Y*, PVY) foram obtidos do GenBank em abril de 2018 por meio do Taxonomy Browser (www.ncbi.nlm.nih.gov) (Anexos). O conjunto de dados referente TuMV foi composto por sequências de 495 isolados, enquanto que o conjunto de dados referente ao SCMV foi composto por sequências de 100 isolados. O conjunto de dados referente ao PVY foi composto por sequências compreendendo um total 258 isolados virais. A escolha desses conjuntos de dados de espécies de potyvírus se deu a partir dos resultados do trabalho conduzido por COUTO (2019), no qual foram encontradas evidências estatisticamente significativas de agrupamento de sítios de recombinação (aqui referidos como “hotspots” de recombinação).

3.2 Alinhamentos múltiplos e obtenção de sequências consenso

Alinhamentos múltiplos de genomas completos foram construídos utilizando-se o programa Muscle (EDGAR, 2004) e manualmente corrigidos no programa MEGA 7 (Molecular Evolutionary Genetics Analysis) (KUMAR; STECHER; TAMURA, 2016). Sequências consenso referentes a cada um dos conjuntos de dados de espécies de potyvírus foram determinadas utilizando-se o programa Jalview (WATERHOUSE et al., 2009). A sequência consenso foi gerada no intuito de se obter uma sequência representativa de cada espécie viral.

3.3 Determinação da sequência genômica mais similar à sequência consenso

Por meio do programa Sequence Demarcation Tool (SDT) (MUHIRE; VARSANI; MARTIN, 2014) foi construída uma matriz de similaridade para cada conjunto de dados, incluindo-se a sequência consenso (item 3.2). A sequência do conjunto de dados que apresentou maior nível de similaridade com a sequência consenso daquele dado conjunto foi escolhida como representativa para as análises subsequentes. Por meio dessa análise, portanto, foi possível selecionar a sequência de um isolado viral “real” que melhor representa cada um dos conjuntos de dados de espécies.

3.4 Estimativa *in silico* dos níveis de desordem intrínseca em proteína virais

O software IUPred2A (MÉSZÁROS; ERDŐS; DOSZTÁNYI, 2018) foi empregado para caracterizar o nível de desordem intrínseca ao longo das proteínas HC-Pro, CI e P3 (de isolados das espécies TuMV, SCMV e PVY, respectivamente). Essas proteínas foram escolhidas devido ao fato de serem codificadas em regiões genômicas propensas à recombinação, conforme resultados das análises conduzidas por COUTO (2019).

O IUPred2A é capaz de identificar regiões intrinsecamente desordenadas em proteínas assumindo um modelo biofísico de baixa resolução de dobramento de proteínas. O programa fornece um escore que varia de 0 a 1, que corresponde à probabilidade que cada parte do genoma em questão faça parte de uma região desordenada.

4. RESULTADOS E DISCUSSÃO

4.1 Sobreposição de sítios de recombinação e regiões de desordem intrínseca em proteínas do TuMV

COUTO (2019) conduziram uma análise de detecção de recombinação na qual um total de 168 eventos foi observado ao longo de 495 genomas completos de isolados do TuMV. Um hotspot de recombinação localizou-se na posição do nucleotídeo 2.000 do conjunto de dados alinhado, na região codificadora correspondente à proteína HC-Pro.

Neste estudo, a análise do nível de desordem intrínseca conduzida para a proteína HC-Pro (Figura 1) apontou um predomínio de regiões favoráveis à desordem, principalmente na porção mediana da proteína, que se sobrepõe parcialmente no genoma viral à região onde foi detectado um hotspot de recombinação (COUTO, 2019).

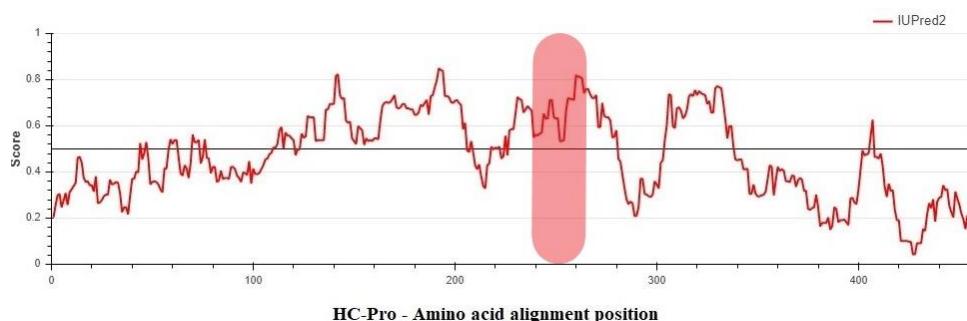


Figura 1. Nível de desordem intrínseca ao longo da sequência primária da proteína HC-Pro do TuMV. A região destacada em vermelho corresponde ao local onde há sobreposição com o hotspot de recombinação conforme observado por COUTO (2019). Os escores indicam a propensão de uma dada região apresentar desordem intrínseca.

4.2 Sobreposição de sítios de recombinação e regiões de desordem intrínseca em proteínas do SCMV

COUTO (2019) contabilizaram um total de 27 eventos de recombinação ao longo de 100 genomas completos de isolados do SCMV. Um hotspot de recombinação foi detectado ao redor da posição do nucleotídeo 4.800 na região codificadora da poliproteína correspondente à posição proteína CI.

Nas análises conduzidas neste estudo, a proteína CI apresentou segmentos curtos com alta propensão à desordem intrínseca (Figura 2). Similar aos resultados observados nas análises conduzidas para o conjunto de dados do TuMV, foi possível verificar uma

sobreposição parcial entre regiões de desordem intrínseca com aquela porção do genoma onde foi detectado um hotspot de recombinação (COUTO, 2019). É importante enfatizar que, embora outras regiões da proteína também tenham apresentado propensão à desordem intrínseca, somente um hotspot foi detectado no genoma viral na posição correspondente à HC-Pro por COUTO (2019).

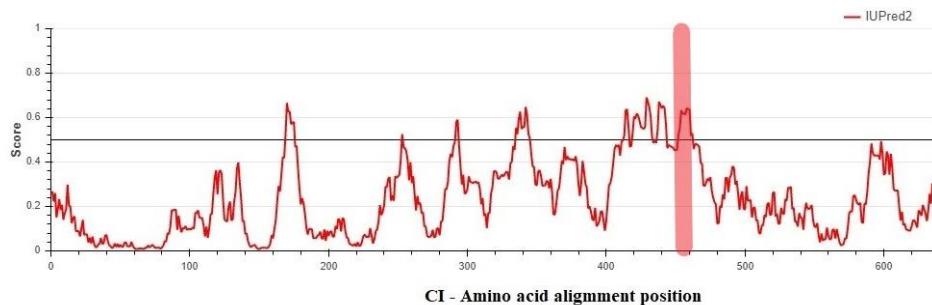


Figura 2. Nível de desordem intrínseco ao longo da sequência primária da proteína CI do SCMV. A região destacada em vermelho corresponde ao local onde há sobreposição com o hotspot de recombinação, conforme observado por (COUTO, 2019). Os escores indicam a propensão de uma dada região apresentar desordem intrínseca.

4.3 Sobreposição de sítios de recombinação e regiões de desordem intrínseca em proteínas do PVY

Análises prévias indicaram a existência de 17 eventos de recombinação ao longo de 358 genomas completos de isolados do PVY. Esses eventos concentraram-se na região ao redor do nucleotídeo 2.430 do conjunto de dados alinhado, na posição correspondente à sequência codificadora da proteína P3 (COUTO, 2019).

Com base na análise do nível de desordem da proteína P3 do PVY, observou-se apenas uma estreita região propensa à desordem intrínseca na porção mediana da proteína (Figura 3). Em contraste aos resultados anteriores, não houve sobreposição entre a região de desordem na proteína P3 e a região onde o hotspot de recombinação foi detectado no genoma viral por COUTO (2019).

HU et al. (2009) sugeriram que estruturas secundárias de RNA e/ou regiões ricas em bases nitrogenadas dos tipos adenina e uracila em algumas regiões do genoma do PVY podem afetar positivamente a ocorrência de eventos de recombinação, mas em geral, elas não foram as características determinantes dos padrões de recombinação nesse vírus. Esses resultados sugerem a existência de outros fatores que podem influenciar a distribuição dos eventos de recombinação ao longo dos genomas virais.

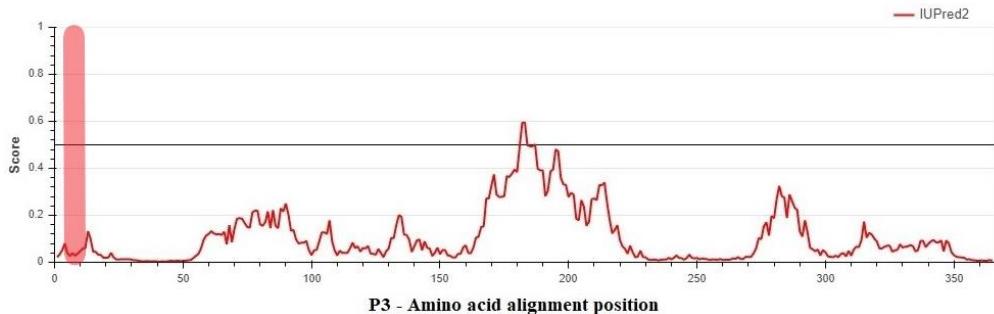


Figura 3. Nível de desordem intrínseca ao longo da sequência primária da proteína P3 do PVY. A região destacada em vermelho corresponde ao local onde há sobreposição com o hotspot de recombinação, conforme observado por COUTO (2019). Os escores indicam a propensão de uma dada região apresentar desordem intrínseca.

CHARON et al. (2016) conduziram estudos para avaliar o nível de desordem em proteínas de vários potyvírus, incluindo aqueles analisados neste estudo. Os resultados corroboraram hipóteses prévias de que regiões apresentando desordem intrínseca são mais tolerantes às mutações do que domínios ordenados. Tais resultados poderiam sugerir que regiões de desordem intrínseca em proteínas codificadas por potyvírus também sejam mais tolerantes à recombinação. Nesse caso, seria razoável supor que as regiões de desordem intrínseca também são alvos frequentes de eventos de recombinação. CHARON et al. (2016) também classificou as proteínas de potyvírus em categorias de acordo com os seus níveis totais de desordem. O primeiro grupo foi composto proteínas com alta propensão à desordem intrínseca (P1, VPg e CP). O segundo grupo apresentou níveis medianos de desordem intrínseca e incluiu as proteínas HC-Pro, P3, P3N-PIPO e CI. Interessantemente, tais proteínas estão envolvidas em várias interações durante o ciclo de replicação viral (KING et al., 1996; WYLIE et al., 2017). Já o terceiro grupo apresentou baixo nível de desordem intrínseca e foi composto pelas proteínas Nla-Pro e Nlb.

As sequências codificadoras das proteínas HC-Pro, P3 e CI (pertencentes a isolados das espécies TuMV, PVY e SCMV, respectivamente) foram consideradas como alvos frequentes de recombinação nas análises conduzidas por COUTO (2019). Ao mesmo tempo, elas apresentaram níveis medianos de propensão à desordem em um outro estudo (CHARON et al., 2016). Portanto, mesmo quando os resultados obtidos nesse trabalho são comparados a outros nos quais a propensão à desordem intrínseca em proteínas de potyvírus foi analisada, parece não haver uma forte correlação entre ambos os fatores.

5. CONCLUSÕES

Neste estudo foram observadas sobreposições parciais entre regiões de desordem intrínseca nas proteínas HC-Pro e CI, e hotspots de recombinação em genomas do TuMV e SCMV, respectivamente. Entretanto, o hotspot de recombinação detectado no genoma do PVY por COUTO (2019) foi localizado em uma região equivalente na proteína P3 de baixa propensão à desordem intrínseca.

Esses resultados sugerem, portanto, que não há uma sobreposição estrita entre sítios de recombinação em genomas de potyvírus e regiões proteicas de alta propensão a desordem intrínseca. Porém, é importante enfatizar que neste trabalho foram analisados apenas três conjuntos de dados de espécies de potyvírus apresentando hotspots de recombinação estatisticamente significativos como indicado previamente por COUTO (2019). Portanto, é possível que, para outros grupos virais, haja uma sobreposição mais consistente entre hotspots de recombinação e regiões de alta predisposição à desordem intrínseca. Outros estudos analisando conjuntos de dados de vírus com níveis maiores de recombinação precisam ser realizados para avaliar se há uma sobreposição mais consistente sobreposição entre ambos os fatores.

Portanto, com base nos resultados obtidos neste estudo, a sobreposição entre regiões propensas à recombinação nos genomas de potyvírus e de regiões propensas à desordem intrínseca nas proteínas por elas codificadas é fraca. Embora esse tipo de análise não seja capaz de revelar uma relação do tipo causa-efeito entre recombinação genômica e nível de desordem intrínseca em proteínas, tais estudos são essenciais para o melhor entendimento da dinâmica evolutiva de populações virais.

6. REFERÊNCIAS

- ADAMS, M. J.; ANTONIW, J. F.; BEAUDIOIN, F. Overview and analysis of the polyprotein cleavage sites in the family Potyviridae. **Molecular Plant Pathology**, v. 6, n. 4, p. 471–487, jul. 2005.
- ATREYA, C. D.; RACCAH, B.; PIRONE, T. P. A point mutation in the coat protein abolishes aphid transmissibility of a potyvirus. **Virology**, v. 178, n. 1, p. 161–165, set. 1990.
- CHARON, J. et al. Protein intrinsic disorder within the Potyvirus genus: from proteome-wide analysis to functional annotation. **Molecular BioSystems**, v. 12, n. 2, p. 634–652, 2016.
- COUTO, G. Z. Identificação de elementos conservados de sequências de RNA adjacentes aos sítios de recombinação em genomas de potyvírus. **Trabalho de Conclusão de Curso de Graduação**, Universidade Federal de Uberlândia, 2019.
- DESBIEZ, C.; LECOQ, H. The nucleotide sequence of Watermelon mosaic virus (WMV, Potyvirus) reveals interspecific recombination between two related potyviruses in the 5' part of the genome. **Archives of Virology**, v. 149, n. 8, 10 ago. 2004.
- DYSON, H. J.; WRIGHT, P. E. Intrinsically unstructured proteins and their functions. **Nature Reviews Molecular Cell Biology**, v. 6, n. 3, p. 197–208, mar. 2005.
- EDGAR, R. C. MUSCLE: multiple sequence alignment with high accuracy and high throughput. **Nucleic Acids Research**, v. 32, n. 5, p. 1792–1797, 8 mar. 2004.
- FENG, X. et al. Recombinants of Bean common mosaic virus (BCMV) and Genetic Determinants of BCMV Involved in Overcoming Resistance in Common Bean. **Phytopathology**, v. 104, n. 7, p. 786–793, jul. 2014.
- GARCIA-ARENAL, F.; FRAILE, A.; MALPICA, J. M. Variation and evolution of plant virus populations. **International Microbiology**, v. 6, n. 4, p. 225–232, 1 dez. 2003.
- HERRERA, M. DEL R. et al. Molecular and genetic characterization of the Ryadg locus on chromosome XI from Andigena potatoes conferring extreme resistance to potato virus Y. **Theoretical and Applied Genetics**, v. 131, n. 9, p. 1925–1938, set. 2018.
- HU, X. et al. Sequence characteristics of potato virus Y recombinants. **Journal of General Virology**, v. 90, n. 12, p. 3033–3041, 1 dez. 2009.
- KING, A. M. Q. et al. Virus taxonomy. In: **Virology Methods Manual**. [s.l.] Elsevier, 1996. p. 365–366.
- KUMAR, S.; STECHER, G.; TAMURA, K. MEGA7: Molecular Evolutionary Genetics Analysis Version 7.0 for Bigger Datasets. **Molecular Biology and Evolution**, v. 33, n. 7, p. 1870–1874, jul. 2016.

- LEFEUVRE, P. et al. Widely Conserved Recombination Patterns among Single-Stranded DNA Viruses. **Journal of Virology**, v. 83, n. 6, p. 2697–2707, 15 mar. 2009.
- MARITAN, A. C.; GASPAR, J. O.; CAMARGO, L. E. A. Identificação e caracterização de um potyvírus isolado de *Zinnia elegans*. **Fitopatologia Brasileira**, v. 29, n. 1, p. 24–29, fev. 2004.
- MÉSZÁROS, B.; ERDŐS, G.; DOSZTÁNYI, Z. IUPred2A: context-dependent prediction of protein disorder as a function of redox state and protein binding. **Nucleic Acids Research**, v. 46, n. W1, p. W329–W337, 2 jul. 2018.
- MUHIRE, B. M.; VARSANI, A.; MARTIN, D. P. SDT: A Virus Classification Tool Based on Pairwise Sequence Alignment and Identity Calculation. **PLoS ONE**, v. 9, n. 9, p. e108277, 26 set. 2014.
- PADHI, A.; RAMU, K. Genomic evidence of intraspecific recombination in sugarcane mosaic virus. **Virus Genes**, 2011.
- REVERS, F. et al. Frequent occurrence of recombinant potyvirus isolates. **Journal of General Virology**, v. 77, n. 8, p. 1953–1965, 1 ago. 1996.
- ROOSSINCK, M. J. Mechanisms of plant virus evolution. **Annual Review of Phytopathology**, v. 35, n. 1, p. 191–209, set. 1997.
- ROOSSINCK, M. J. Plant RNA virus evolution. **Current Opinion in Microbiology**, v. 6, n. 4, p. 406–409, ago. 2003.
- ROOSSINCK, M. J. **Plant Virus Evolution**. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg, 2008.
- TÓBIÁS, I.; PALKOVICS, L. Characterization of Hungarian isolates of zucchini yellow mosaic virus (ZYMV, potyvirus) transmitted by seeds of *Cucurbita pepo* var Styriaca. **Pest Management Science**, v. 59, n. 4, p. 493–497, abr. 2003.
- TOMPA, P. The interplay between structure and function in intrinsically unstructured proteins. **FEBS Letters**, v. 579, n. 15, p. 3346–3354, 13 jun. 2005.
- VALLI, A.; LOPEZ-MOYA, J. J.; GARCIA, J. A. Recombination and gene duplication in the evolutionary diversification of P1 proteins in the family Potyviridae. **Journal of General Virology**, v. 88, n. 3, p. 1016–1028, 1 mar. 2007.
- WALTER, J. et al. Comparative analysis of mutational robustness of the intrinsically disordered viral protein VPg and of its interactor eIF4E. **PLOS ONE**, v. 14, n. 2, p. e0211725, 14 fev. 2019.
- WATERHOUSE, A. M. et al. Jalview Version 2--a multiple sequence alignment editor and analysis workbench. **Bioinformatics**, v. 25, n. 9, p. 1189–1191, 1 maio 2009.
- WYLIE, S. J. et al. ICTV Virus Taxonomy Profile: Potyviridae. **Journal of General Virology**, v. 98, n. 3, p. 352–354, 1 mar. 2017.

7. ANEXOS

Tabela Suplementar S1. Sequências de potyvírus analisadas neste estudo

Vírus	# Acesso	Hospedeiro	Data de coleta	Local De Coleta
<i>Turnip mosaic virus</i> (TuMV)	AY134473	<i>Brassica. napus</i>	2003	United Kingdom
	AF530055	<i>Zantedeschia spp.</i>	2003	Taiwan
	MG200170	<i>Raphanus sativus</i>	2016	South Korea
	MG200169	<i>Raphanus sativus</i>	2016	South Korea
	MG200168	<i>Raphanus sativus</i>	2016	South Korea
	MG200167	<i>Raphanus sativus</i>	2016	South Korea
	MG200166	<i>Raphanus sativus</i>	2016	South Korea
	KX674734	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY190216	<i>Physalis ixocarpa</i>	2016	Mexico
	KY111274	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY111273	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY111272	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY111271	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY111270	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY111269	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY111268	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KY111267	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KX674733	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KX674732	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KX674731	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KX674730	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
	KX674729	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea

KX674728	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
KX674727	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
KX674726	<i>Raphanus sativus</i>	2015	South Korea
LC215859	<i>Raphanus sativus</i>	2014	South Korea
KX610932	<i>Brassica oleracea</i>	2015	Australia
KX610931	<i>Brassica oleracea</i>	2015	Australia
KX610930	<i>Brassica oleracea</i>	2015	Australia
KX610929	<i>Brassica oleracea</i>	2015	Australia
KX641466	<i>Arabidopsis sp. Col-0</i>	2015	Australia
KX641465	<i>Chinese cabbage</i>	1997	Australia
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579486	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579485	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579484	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579483	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579482	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579481	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579480	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
	<i>Raphanus sativus var. hortensis f.</i>		
KX579479	<i>raphanistroides</i>	2014	South Korea
KM094174	<i>Raphanus sativus</i>	1995	Japan
KJ936093	<i>Raphanus raphanistrum</i>	2000	Australia

KJ936092	<i>Rapistrum rugosum</i>	2006	Australia
KJ936091	<i>Hirschfeldia incana</i>	2006	Australia
KJ936090	<i>Rapistrum rugosum</i>	2006	Australia
KJ936089	<i>Cicer arietinum</i>	2006	Australia
KJ936088	<i>Brassica juncea</i>	2006	Australia
KJ936087	<i>Brassica juncea</i>	2006	Australia
KF595121	<i>Brassica napus L. ssp. oleifera</i>	2009	Croatia
KF246570	<i>Phalaenopsis sp.</i>	2012	China
KC297103	<i>Brassica oleracea</i>	2012	Russia
AB747315	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747314	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747313	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747312	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747311	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747310	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747309	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747308	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747307	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747306	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747305	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747304	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747303	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747302	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747301	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747300	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747299	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam

AB747298	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747297	<i>Brassica juncea</i>	2006	Vietnam
AB747296	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747295	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747294	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747293	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747292	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747291	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747290	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747289	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747288	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747287	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
AB747286	<i>Raphanus sativus</i>	2006	Vietnam
HM544042	<i>Brassica rapa</i>	2007	Australia
AB440239	<i>Brassica deflexa</i>	2003-2008	Iran
AB440238	<i>Brassica deflexa</i>	2003-2008	Iran
EU734434	<i>Raphanus sativus</i>	2008	China
EU734433	<i>Raphanus sativus</i>	2008	China
AF169561	<i>Brassica napus</i>	2000	United Kingdom
AY090660	<i>Brassica napus</i>	2002	China
DQ648592	<i>Cochlearia armoracia L.</i>	2004	Poland
DQ648591	<i>Cochlearia armoracia L.</i>	2004	Poland
EU861593	<i>Brassica oleracea var. oleracea</i>	2002	United Kingdom
AB362513	<i>Brassicaceae</i>	2006	Turkey
AB362512	<i>Brassicaceae</i>	2006	Turkey
AB105135	<i>Raphanus sativus L</i>	2003	Japan

AB105134	<i>Brassica oleracea L.</i>	2003	Japan
D10927	<i>Brassica napus</i>	1990	Canada
AB252143	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252142	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252141	<i>Lactuca sativa</i>	2000	Japan
AB252140	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252139	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252138	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252137	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252136	<i>Brassica rapa</i>	2000	Japan
AB252135	<i>Ranunculus asiaticus</i>	1997	Italy
AB252134	<i>Raphanus sativus</i>	2001	Japan
AB252133	<i>Brassica oleracea</i>	1995	Netherlands
AB252132	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB252131	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252130	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB252129	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252128	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252127	<i>Raphanus sativus</i>	2001	Japan
AB252126	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252125	<i>Brassica rapa</i>	2004	Japan
AB252124	<i>Brassica oleracea</i>	2004	Japan
AB252123	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB252122	<i>Brassica sp.</i>	1994	Italy
AB252121	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252120	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan

AB252119	<i>Brassica sp.</i>	1998	China
AB252118	<i>Raphanus sativus</i>	1996	Japan
AB252117	<i>Allium sp.</i>	1999	Greece
AB252116	<i>Brassica oleracea</i>	1993	Greece
AB252115	<i>Raphanus sativus</i>	2001	Japan
AB252114	<i>Brassica oleracea</i>	2000	United Kingdom
AB252113	<i>Brassica oleracea</i>	1999	United Kingdom
AB252112	<i>Brassica oleracea</i>	1987	Germany
AB252111	<i>Brassica pekinensis</i>	1998	Japan
AB252110	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252109	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252108	<i>Brassica napus</i>	1993	Denmark
AB252107	<i>Brassica rapa</i>	1994	Czech Republic
AB252106	<i>Brassica campestris</i>	1999	China
AB252105	<i>Raphanus sativus</i>	1999	China
AB252104	<i>Raphanus sativus</i>	2000	China
AB252103	<i>Raphanus sativus</i>	1999	China
AB252102	<i>Eustoma russellianum</i>	1998	Japan
AB252101	<i>Brassica pekinensis</i>	2000	Japan
AB252100	<i>Raphanus sativus</i>	2000	Japan
AB252099	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB252098	<i>Raphanus sativus</i>	2002	Japan
AB252097	<i>Raphanus sativus</i>	2002	Japan
AB252096	<i>Raphanus sativus</i>	2002	Japan
AB252095	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB252094	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan

AB194802	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194801	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194800	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194799	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194798	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194797	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194796	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194795	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194794	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194793	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194792	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194791	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194790	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194789	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194788	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194787	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194786	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB194785	<i>Raphanus sativus</i>	2004	Spain
AB093627	<i>Raphanus sativus</i>	1998	China
AB093626	<i>Brassica spp.</i>	1980	China
AB093625	<i>Brassica campestris</i>	1993	Japan
AB093624	<i>Brassica pekinensis</i>	1994	Japan
AB093623	<i>Raphanus sativus</i>	1993	Japan
AB093622	<i>Brassica pekinensis</i>	1994	Japan
AB093621	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB093620	<i>Raphanus sativus</i>	1996	Japan

AB093619	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB093618	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB093617	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB093616	<i>Raphanus sativus</i>	1997	Japan
AB093615	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB093614	<i>Calendula officinalis</i>	1997	Japan
AB093613	<i>Raphanus sativus</i>	1998	Japan
AB093612	<i>Brassica pekinensis</i>	1998	New Zealand
AB093611	<i>Brassica oleracea</i>	1996	Brazil
AB093610	<i>Brassica napus</i>	1989	Canada
AB093609	<i>Brassica oleracea</i>	1980	United States
AB093608	<i>Brassica oleracea</i>	1981	Czech Republic
AB093607	<i>Brassica napus</i>	Unknown	Russia
AB093606	<i>Armoracia rusticana</i>	1993	Russia
AB093605	<i>Brassica oleracea</i>	1994	Kenya
AB093604	<i>Brassica napus</i>	1970	Germany
AB093603	<i>Lactuca sativa</i>	1993	Germany
AB093602	<i>Allium ampeloprasum</i>	1993	Israel
AB093601	<i>Calendula officinalis</i>	1979	Italy
AB093600	<i>Raphanus sativus</i>	1994	Italy
AB093599	<i>Anemone coronaria</i>	1991	Italy
AB093598	<i>Alliaria officinalis</i>	1968	Italy
AB093597	<i>Anemone coronaria</i>	1993	Italy
AB093596	<i>Limonium sinuatum</i>	1993	Italy
D83184	<i>Brassica rapa</i>	1996	Japan
KX377967	<i>Raphanus sativus</i>	2017	Spain

AP017890	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017889	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017888	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017887	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017886	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017885	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017884	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Turkey
AP017883	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Turkey
AP017882	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017881	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017880	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017879	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017878	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017877	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017876	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017875	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017874	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Turkey
AP017873	<i>Sinapis arvensis</i>	1993–2012	Turkey
AP017872	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017871	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017870	<i>Brassica spp.</i>	1993–2012	Turkey
AP017869	<i>Brassica spp.</i>	1993–2012	Turkey
AP017868	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017867	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017866	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Turkey
AP017865	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Turkey

AP017864	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Turkey
AP017863	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017862	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017861	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017860	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017859	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017858	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017857	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017856	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017855	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017854	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017853	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017852	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017851	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017850	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017849	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017848	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017847	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017846	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017845	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017844	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017843	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017842	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017841	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017840	<i>Brassica oleracea var. capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017839	<i>Brassica oleracea var. capitata</i>	1993–2012	Greece

AP017838	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017837	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017836	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017835	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017834	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017833	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017832	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017831	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017830	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017829	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017828	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017827	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017826	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017825	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017824	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017823	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017822	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017821	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017820	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>botrytis</i>	1993–2012	Greece
AP017819	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017818	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017817	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017816	<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>	1993–2012	Greece
AP017815	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Turkey
AP017814	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017813	<i>Zinia elegans</i>	1993–2012	Iran

AP017812	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017811	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017810	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017809	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017808	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017807	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017806	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017805	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017804	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017803	<i>Rapistrum rugosum</i>	1993–2012	Iran
AP017802	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017801	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017800	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017799	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017798	<i>Mattiola sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017797	<i>Sisymbrium irio</i>	1993–2012	Iran
AP017796	<i>Impatiens balsamina</i>	1993–2012	Iran
AP017795	<i>Hirschfeldia incana</i>	1993–2012	Iran
AP017794	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017793	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017792	<i>Brassica oleracea</i>	1993–2012	Iran
AP017791	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017790	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017789	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017788	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017787	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran

AP017786	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017785	<i>Rapistrum rugosum</i>	1993–2012	Iran
AP017784	<i>Rapistrum rugosum</i>	1993–2012	Iran
AP017783	<i>Rapistrum rugosum</i>	1993–2012	Iran
AP017782	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017781	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017780	<i>Rapistrum rugosum</i>	1993–2012	Iran
AP017779	<i>Cheiranthus cheiri</i>	1993–2012	Iran
AP017778	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017777	<i>Mattiola sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017776	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Iran
AP017775	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Iran
AP017774	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Iran
AP017773	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017772	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017771	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Iran
AP017770	<i>Brassica oleracea var. botrytis</i>	1993–2012	Iran
AP017769	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017768	<i>Sisymbrium loeselii</i>	1993–2012	Iran
AP017767	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017766	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017765	<i>Mattiola sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017764	<i>Brassica oleracea var. italica</i>	1993–2012	Iran
AP017763	<i>Chrysanthemum sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017762	<i>Cheiranthus cheiri</i>	1993–2012	Iran
AP017761	<i>Brassica napus</i>	1993–2012	Iran

AP017760	<i>Mattiola sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017759	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017758	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017757	<i>Raphanus sativus</i>	1993–2012	Iran
AP017756	<i>Wild Allium sp.</i>	1993–2012	Greece
AP017755	<i>Cheiranthus sp.</i>	1993–2012	Greece
AP017754	<i>Mattiola sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017753	<i>Mattiola sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017752	<i>Mattiola sp.</i>	1993–2012	Iran
AP017751	<i>Spinacia oleracea</i>	1993–2012	Turkey
AP017750	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017749	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Turkey
AP017748	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017747	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017746	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017745	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017744	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017743	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017742	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Turkey
AP017741	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Turkey
AP017740	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Turkey
AP017739	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Turkey
AP017738	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Turkey
AP017737	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Turkey
AP017736	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017735	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Turkey

AP017734	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017733	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Turkey
AP017732	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Turkey
AP017731	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017730	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Turkey
AP017729	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017728	<i>Raphanus raphanistrum</i>	1993–2012	Turkey
AP017727	<i>Sinapis arvensis</i>	1993–2012	Greece
AP017726	<i>Sinapis arvensis</i>	1993–2012	Greece
AP017725	<i>Sinapis arvensis</i>	1993–2012	Greece
AP017724	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017723	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017722	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017721	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017720	<i>Sinapis arvensis</i>	1993–2012	Greece
AP017719	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017718	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017717	<i>Allium neapolitanum</i>	1993–2012	Greece
AP017716	<i>Allium hirsutum</i>	1993–2012	Greece
AP017715	<i>Brassica rapa</i>	1993–2012	Greece
AP017714	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017713	<i>Eruca sativa</i>	1993–2012	Greece
AP017712	<i>Sinapis arvensis</i>	1993–2012	Greece
KU140422	<i>Nicotiana benthamiana</i>	2014	South Korea
KU140421	<i>Nicotiana benthamiana</i>	2014	South Korea
KU140420	<i>Raphanus sativus</i>	2014	South Korea

KR153040	<i>Raphanus sativus</i>	2014	China
KR153039	<i>Raphanus sativus</i>	2014	China
KR153038	<i>Raphanus sativus</i>	2014	China
KU053508	<i>Arthropodium cirratum</i>	2014	New Zealand
AB989659	<i>Lepidium oleraceum</i>	1994–2011	New Zealand
AB989658	<i>Lepidium oleraceum</i>	1994–2011	New Zealand
AB989657	<i>Lepidium oleraceum</i>	1994–2011	New Zealand
AB989656	<i>Brassica rapa</i>	1994–2011	New Zealand
AB989655	<i>Brassica rapa</i>	1994–2011	New Zealand
AB989654	<i>Brassica rapa</i>	1994–2011	New Zealand
AB989653	<i>Brassica spp.</i>	1994–2011	New Zealand
AB989652	<i>Brassica rapa cv. Marco</i>	1994–2011	New Zealand
AB989651	<i>Brassica rapa cv. Marco</i>	1994–2011	New Zealand
AB989650	<i>Brassica rapa cv. Marco</i>	1994–2011	New Zealand
AB989649	<i>Pachycladon fastigiatum</i>	1994–2011	New Zealand
AB989648	<i>Pachycladon fastigiatum</i>	1994–2011	New Zealand
AB989647	<i>Lepidium oleraceum</i>	1994–2011	New Zealand
AB989646	<i>Brassica napus cv. York Globe</i>	1994–2011	New Zealand
AB989645	<i>Nasturtium officinale</i>	1994–2011	New Zealand
AB989644	<i>Crocus sativus</i>	1994–2011	New Zealand
AB989643	<i>Rapistrum rugosum</i>	1994–2011	Australia
AB989642	<i>Hirschfeldia incana</i>	1994–2011	Australia
AB989641	<i>Brassica rapa</i>	1994–2011	Australia
AB989640	<i>Brassica rapa</i>	1994–2011	Australia
AB989639	<i>Rapistrum raphanistrum</i>	1994–2011	Australia
AB989638	<i>Rapistrum rugosum</i>	1994–2011	Australia

AB989637	<i>Hirschfeldia incana</i>	1994–2011	Australia
AB989636	<i>Rapistrum raphanistrum</i>	1994–2011	Australia
AB989635	<i>Brassica pekinensis</i>	1994–2011	Australia
AB989634	<i>Brassica pekinensis</i>	1994–2011	Australia
AB989633	<i>Rapistrum rugosum</i>	1994–2011	Australia
AB989632	<i>Brassica juncea</i>	1994–2011	Australia
AB989631	<i>Brassica juncea</i>	1994–2011	Australia
AB989630	<i>Rapistrum rugosum</i>	1994–2011	Australia
AB989629	<i>Cicer arietinum</i>	1994–2011	Australia
AB989628	<i>Hirschfeldia incana</i>	1999	Australia
AB701742	<i>wild Brassica oleracea</i>	2002	United Kingdom
AB701741	<i>Raphanus sativus</i>	2002	United States
AB701740	<i>Raphanus sativus</i>	1993	United States
AB701739	<i>Brassica pekinensis</i>	1986	United States
AB701738	<i>Tulipa gesneriana</i>	1960	United States
AB701737	<i>Sesynibium sp.</i>	1997	United States
AB701736	<i>Utricularia sp.</i>	1983	Germany
AB701735	<i>Tigridia sp.</i>	1983	Germany
AB701734	<i>Tigridia sp.</i>	1934	Germany
AB701733	<i>Brassica sp.</i>	1993	United Kingdom
AB701732	<i>Brassica napus oleifera</i>	1993	Poland
AB701731	<i>Papaver somniferum</i>	Unknown	Poland
AB701730	<i>Brassica oleracea</i>	1993	Germany
AB701729	<i>Brassica oleracea acephala</i>	1993	Portugal
AB701728	<i>Brassica napus oleifera</i>	1995	Poland
AB701727	<i>Brassica oleracea</i>	1995	Netherlands

AB701726	<i>Cucurbita pepo</i>	1993	Italy
AB701725	<i>Abutilon sp.</i>	1992	Italy
AB701724	<i>Matthiola incana</i>	1990	Italy
AB701723	<i>Brassica ruvo</i>	1990	Italy
AB701722	<i>Brassica rapa</i>	1992	Italy
AB701721	<i>Cheiranthus cheiri</i>	1990	Italy
AB701720	<i>Brassica ruvo</i>	1996	Italy
AB701719	<i>Alliaria petiolata</i>	2002	Hungary
AB701718	<i>Brassica oleracea</i>	2002	United Kingdom
AB701717	<i>Brassica oleracea</i>	2000	United Kingdom
AB701716	<i>Brassica oleracea</i>	1999	United Kingdom
AB701715	<i>Brassica oleracea</i>	1999	United Kingdom
AB701714	<i>Brassica oleracea</i>	1999	United Kingdom
AB701713	<i>Brassica oleracea</i>	1999	United Kingdom
AB701712	<i>Brassica oleracea</i>	1999	United Kingdom
AB701711	<i>Brassica oleracea</i>	1999	United Kingdom
AB701710	<i>Lunaria annua</i>	1994	United Kingdom
AB701709	<i>Rheum rhabarbarum</i>	1993	United Kingdom
AB701708	<i>Brassica napus</i>	1994	France
AB701707	<i>Sisymbrium orientale</i>	2001	Spain
AB701706	<i>Eruca sativa</i>	2001	Spain
AB701705	<i>Eruca sativa</i>	1991	Italy
AB701704	<i>Brassica rapa</i>	1986	Denmark
AB701703	<i>Brassica rapa</i>	1978	Denmark
AB701702	<i>Lactuca sativa</i>	1991	Germany
AB701701	<i>Lactuca sativa</i>	1986	Germany

AB701700	<i>Raphanus sativus</i>	1993	Germany
AB701699	Unknown	1976	Germany
AB701698	<i>Rorippa nasturtium-aquaticum</i>	1986	Belgium
AB701697	<i>Allium sp.</i>	1995	Germany
AB701696	<i>Matthiola incana</i>	1989	Greece
AB701695	<i>Lactuca sativa</i>	1994	Germany
AB701694	<i>Alliaria officinalis</i>	1991	Denmark
AB701693	<i>Orchis simia</i>	1981	Germany
AB701692	<i>Orchis morio</i>	1983	Germany
AB701691	<i>Orchis militaris</i>	1981	Germany
AB701690	<i>Orchis militaris</i>	1981	Germany
KC119189	Cabbage	2009	China
KC119188	Cabbage	2010	China
KC119187	Cabbage	2010	China
KC119186	Cabbage	2010	China
KC119185	Cabbage	2010	China
KC119184	Radish	2010	China
HQ446217	Cruciferous plants	1985-1987	China
HQ446216	<i>Brassica</i>	1986-1990	China
HQ637383	<i>Armoracia rusticana</i>	2004	Poland
EF374098	Unknown	Unknown	Poland
AF394602	Unknown	Unknown	Unknown
AF394601	Unknown	Unknown	Unknown
LC314399	<i>Narcissus tazetta var. chinensis</i>	2009–2015	Japan
LC314398	<i>Narcissus tazetta var. chinensis</i>	2009–2015	Japan
LC314397	<i>Narcissus tazetta var. chinensis</i>	2009–2015	Japan

LC314396	<i>Narcissus tazzeta var. chinensis</i>	2009–2015	Japan
LC314395	<i>Narcissus tazzeta var. chinensis</i>	2009–2015	Japan
LC314394	<i>Narcissus tazzeta var. chinensis</i>	2009–2015	China
LC314393	<i>Narcissus tazzeta var. chinensis</i>	2009–2015	Japan
LC314392	<i>Narcissus tazzeta var. chinensis</i>	2009–2015	Japan
LC314391	<i>Narcissus tazzeta var. chinensis</i>	2012	Japan
NC030391	Wild onion	2012	Turkey
LC159495	Wild onion	2012	Turkey
LC159494	Wild onion	2016	Turkey
<hr/>			
<i>Sugarcane mosaic virus</i> (SCMV)			
EU091075	<i>Zea mays</i>	2010	Mexico
KU886553	<i>Zea mays</i>	2015	China
JX047431	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047430	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047429	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047428	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047427	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047426	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047425	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047424	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047423	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047422	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047421	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047420	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047419	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047418	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047417	<i>Zea mays</i>	2011	China

JX047416	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047415	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047414	<i>Zea mays</i>	2011	China
JX047413	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047412	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047411	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047410	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047409	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047408	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047407	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047406	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047405	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047404	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047403	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047402	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047401	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047400	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047399	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047398	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047397	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047396	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047395	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047394	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047393	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047392	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047391	<i>Zea mays</i>	2010	China

JX047390	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047389	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047388	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047387	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047386	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047385	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047384	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047383	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047382	<i>Zea mays</i>	2010	China
JX047381	<i>Zea mays</i>	2010	China
KR611114	<i>Zea mays</i>	2013	China
KR611113	<i>Zea mays</i>	2013	China
KR611112	<i>Zea mays</i>	2013	China
KR611111	<i>Zea mays</i>	2012	China
KR611110	<i>Zea mays</i>	2012	China
KR611109	<i>Zea mays</i>	2013	China
KR611108	<i>Zea mays</i>	2012	China
KR611107	<i>Zea mays</i>	2012	China
KR611106	<i>Zea mays</i>	2013	China
KR611105	<i>Zea mays</i>	2012	China
KT895081	<i>Zea mays</i>	2013	Iran
KT895080	<i>Saccharum officinarum</i>	2013	Iran
JX188385	<i>Zea mays</i>	1965	Eua
JX185303	Unknown	Unknown	Germany
JN021933	<i>Zea mays</i>	2010	China
AY569692	<i>Zea mays</i>	2003	China

GU474635	<i>Zea mays</i>	2009	Mexico
AF494510	Unknown	Unknown	China
AM110759	<i>Zea mays</i>	1992	Spain
MG932080	<i>Zea mays</i>	2012-2014	Kenya
MG932079	<i>Sorghum bicolor</i>	2014	Kenya
MG932078	<i>Zea mays</i>	2012	Kenya
MG932077	<i>Zea mays</i>	2012	Kenya
MG932076	<i>Zea mays</i>	2012	Kenya
KY548507	<i>Saccharum officinarum</i>	2016	China
KY548506	<i>Saccharum officinarum</i>	2012	China
KY006657	<i>Zea mays</i>	2012	Ecuador
KR108213	<i>Saccharum officinarum</i>	2014	China
KR108212	<i>Saccharum officinarum</i>	2014	China
KP772216	<i>Zea mays</i>	2014	Ethiopia
KP860936	<i>Zea mays</i>	2014	Ethiopia
KP860935	<i>Zea mays</i>	2014	Ethiopia
NC_003398	<i>Zea mays</i>	2000	China
KF744392	<i>Zea mays</i>	2013	Rwanda
KF744391	<i>Zea mays</i>	2013	Rwanda
KF744390	<i>Zea mays</i>	2013	Rwanda
JX237863	<i>Saccharum officinarum</i>	2007	Argentina
JX237862	<i>Saccharum officinarum</i>	2010	Argentina
HM133588	<i>Zea mays</i>	2008	United States
AY149118	<i>Zea mays</i>	2002	China
AY042184	<i>Zea mays</i>	Unknown	China
AJ278405	Unknown	Unknown	Australia

	AJ310105	<i>Zea mays</i>	2000	China
	AJ310104	<i>Saccharum officinarum</i>	2000	China
	AJ310103	<i>Saccharum officinarum</i>	2000	China
	AJ310102	<i>Saccharum officinarum</i>	2000	China
	AJ297628	<i>Zea mays</i>	2000	China
	AM110758	<i>Zea mays</i>	Unknown	Spain
<hr/>				
<i>Potato virus Y</i>	A08776	Unknown	Unknown	Unknown
	AB185833	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Syria
	AB270705	<i>Solanum tuberosum</i>	2002	Syria
	AB461451	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	Syria
	AB461452	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	Syria
	AB461453	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	Syria
	AB702945	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	Japan
	AB711143	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711144	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711145	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711146	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711147	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711148	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711149	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711150	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711151	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711152	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711153	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711154	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
	AB711155	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan

AB714134	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Japan
AB714135	<i>Solanum tuberosum</i>	1989	Japan
AF237963	<i>Capsicum spp.</i>	Unknown	Unknown
AF463399	Unknown	Unknown	Unknown
AJ584851	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	United Kingdom
AJ585195	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	United Kingdom
AJ585196	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	United Kingdom
AJ585197	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	United Kingdom
AJ585198	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	United Kingdom
AJ585342	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Slovenia
AJ889866	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Poland
AJ889867	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Germany
AJ889868	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Germany
AJ890342	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	Poland
AJ890343	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	Poland
AJ890344	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	Poland
AJ890345	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	Germany
AJ890346	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	Germany
AJ890347	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Germany
AJ890348	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	France
AJ890349	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Poland
AJ890350	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Germany
AM113988	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Germany
AM268435	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	New Zealand
D00441	Unknown	Unknown	Unknown
DQ309028	<i>Nicotiana tobacum</i>	Unknown	Unknown

EF026074	<i>Solanum tuberosum</i>	2002	United States
EF026075	<i>Solanum tuberosum</i>	2002	United States
EF026076	<i>Solanum tuberosum</i>	2002	United States
EU563512	<i>Solanum tuberosum</i>	1938	Netherlands
FJ204164	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
FJ204165	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
FJ204166	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
FJ643477	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
FJ643478	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
FJ643479	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
FJ666337	<i>Solanum tuberosum</i>	1970	Poland
GQ200836	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	China
HE608963	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Germany
HE608964	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Germany
HG810949	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	Vietnam
HG810950	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	Vietnam
HG810951	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	Vietnam
HG810952	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	Vietnam
HM367075	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	Canada
HM367076	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	Canada
HM590405	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	Unknown
HM590406	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	Unknown
HM590407	<i>Nicotiana tabacum</i>	Unknown	China
HQ631374	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	China
HQ912862	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912863	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States

HQ912864	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
HQ912865	<i>Solanum tuberosum</i>	2000	United States
HQ912866	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
HQ912868	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
HQ912869	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
HQ912870	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
HQ912871	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
HQ912872	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
HQ912873	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
HQ912874	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912875	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
HQ912876	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
HQ912877	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912878	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912879	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912880	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912881	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912882	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912883	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912884	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
HQ912885	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
HQ912886	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912887	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912888	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912889	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912890	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States

HQ912891	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
HQ912892	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912893	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912894	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912895	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912896	<i>Solanum tuberosum</i>	2008	United States
HQ912897	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912898	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912899	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912900	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912901	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912902	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912903	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912904	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912905	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912906	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912907	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912908	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912909	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912910	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912911	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
HQ912912	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912913	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912914	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
HQ912915	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
JF928458	<i>Solanum tuberosum</i>	2008	Brazil

JF928459	<i>Solanum tuberosum</i>	2008	Brazil
JF928460	<i>Solanum tuberosum</i>	2008	Brazil
JQ924285	<i>Solanum tuberosum</i>	1985	Brazil
JQ924286	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	Brazil
JQ924287	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	Brazil
JQ924288	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	Brazil
JQ969033	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Belgium
JQ969034	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Belgium
JQ969035	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Belgium
JQ969037	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Belgium
JQ969039	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Belgium
JQ969041	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	Belgium
JX424837	<i>Solanum tuberosum</i>	2008	Finland
KC614702	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United Kingdom
KC634004	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United Kingdom
KC634005	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	United Kingdom
KC634006	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United Kingdom
KC634007	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United Kingdom
KC634008	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United Kingdom
KF770835	<i>Capsicum annuum</i>	2010	South Africa
KF850513	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	Mexico
KJ634023	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	China
KJ634024	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	China
KJ801915	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	China
KJ946936	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	Serbia
KM396648	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	Slovenia

KP691317	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	Australia
KP691318	<i>Solanum tuberosum</i>	2003	Australia
KP691319	<i>Solanum tuberosum</i>	1984	United Kingdom
KP691320	<i>Solanum lycopersicum</i>	2006	Australia
KP691321	<i>Solanum tuberosum</i>	1982	United Kingdom
KP691322	<i>Solanum tuberosum</i>	1982	United Kingdom
KP691323	<i>Solanum tuberosum</i>	1982	United Kingdom
KP691324	<i>Solanum tuberosum</i>	1980	United Kingdom
KP691325	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	Australia
KP691326	<i>Solanum tuberosum</i>	1984	United Kingdom
KP691327	<i>Solanum tuberosum</i>	1943	United Kingdom
KP691328	<i>Solanum tuberosum</i>	2008	Australia
KP691329	<i>Solanum tuberosum</i>	2008	Australia
KP691330	<i>Solanum tuberosum</i>	1981	United Kingdom
KP793715	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Saudi Arabia
KP793716	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Saudi Arabia
KR149260	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Colombia
KR528584	<i>Vitis vinifera</i>	2013	Uruguay
KT290511	<i>Solanum lycopersicum</i>	2015	Colombia
KT290512	<i>Solanum lycopersicum</i>	2015	Colombia
KT336551	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Colombia
KT336552	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Colombia
KT599906	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Indonesia
KT599907	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Indonesia
KT599908	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Indonesia
KU375553	<i>Solanum lycopersicum</i>	2012	China

KU375554	<i>Solanum lycopersicum</i>	2012	China
KU569326	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	China
KU724101	<i>Nicotiana tabacum</i>	2015	China
KX009783	<i>Nicotiana tabacum</i>	2014	China
KX032614	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	China
KX184816	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	Israel
KX184817	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Israel
KX184818	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Israel
KX184819	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	Israel
KX356068	<i>Solanum tuberosum</i>	1994	Poland
KX531041	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Colombia
KX580384	<i>Solanum lycopersicum</i>	2014	United States
KX650858	<i>Nicotiana tabacum</i>	2015	China
KX650859	<i>Nicotiana tabacum</i>	2015	China
KX650860	<i>Nicotiana tabacum</i>	2015	China
KX650861	<i>Nicotiana tabacum</i>	2015	China
KX650862	<i>Nicotiana tabacum</i>	2015	China
KX688597	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	China
KX688598	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	China
KX688599	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	China
KX688600	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	China
KX688601	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	China
KX688602	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	China
KX710153	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	South Africa
KX710154	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	South Africa
KX713170	<i>Solanum lycopersicum</i>	2015	Slovakia

KX756672	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Colombia
KX856986	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Slovenia
KY711363	<i>Physalis peruviana</i>	2016	Colombia
KY800342	<i>Nicotiana tabacum</i>	2016	China
KY810782	<i>Solanum tuberosum</i>	2016	United Kingdom
KY847936	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847937	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847938	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847939	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847940	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847941	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847942	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847943	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847944	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847945	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847946	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY847947	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY847948	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY847949	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY847950	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847951	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847952	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	United States
KY847953	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	United States
KY847954	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847956	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847957	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States

KY847958	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847959	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847960	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847961	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	Germany
KY847962	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847963	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847964	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United States
KY847965	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847966	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847967	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847968	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847969	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847970	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	United States
KY847971	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	United States
KY847972	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847973	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847974	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847975	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United States
KY847976	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United States
KY847977	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	United States
KY847978	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847979	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847980	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847981	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847982	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847983	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States

KY847984	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY847985	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY847986	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847987	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847988	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847989	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847990	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847991	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847992	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY847993	<i>Solanum tuberosum</i>	2011	United States
KY847994	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847995	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY847996	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847997	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY847998	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY847999	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848000	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848001	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848002	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848003	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848004	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848005	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848006	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848007	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United States
KY848008	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United States
KY848009	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United States

KY848010	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY848011	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY848012	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY848013	<i>Solanum tuberosum</i>	2010	United States
KY848015	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY848016	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY848017	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY848018	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848019	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY848020	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848021	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848022	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848023	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	Germany
KY848024	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	United States
KY848025	<i>Solanum tuberosum</i>	2009	United States
KY848026	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848027	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848028	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY848029	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY848030	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
KY848031	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848032	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY848033	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848034	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848035	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848036	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States

KY848037	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848038	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848039	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848040	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848041	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848042	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848043	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848044	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848045	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848046	<i>Solanum tuberosum</i>	2006	United States
KY848047	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848048	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848049	<i>Solanum tuberosum</i>	2005	United States
KY848050	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848051	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848052	<i>Solanum tuberosum</i>	2004	United States
KY848053	<i>Solanum tuberosum</i>	2007	United States
KY851109	<i>Solanum tuberosum</i>	2016	India
KY863548	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Egypt
KY863549	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Egypt
KY863550	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Egypt
KY863551	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Egypt
KY983389	<i>Solanum americanum</i>	2016	China
MF033142	<i>Solanum tuberosum</i>	2016	China
MF033143	<i>Solanum americanum</i>	2016	China
MF134861	<i>Physalis peruviana</i>	2015	United States

MF134862	<i>Physalis peruviana</i>	2015	United States
MF134863	<i>Physalis peruviana</i>	2015	United States
MF134864	<i>Physalis peruviana</i>	2015	United States
MF134865	<i>Physalis peruviana</i>	2015	United States
MF134866	<i>Physalis peruviana</i>	2015	United States
MF176826	<i>Solanum tuberosum</i>	2016	Colombia
MF176827	<i>Solanum tuberosum</i>	2016	Colombia
MF176828	<i>Solanum tuberosum</i>	2016	Colombia
MF405303	<i>Solanum tuberosum</i>	2013	Switzerland
MF422609	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Switzerland
MF422610	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	Switzerland
MF624282	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	United States
MF624283	<i>Solanum tuberosum</i>	2014	United States
MF624284	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
MF624285	<i>Solanum tuberosum</i>	2012	United States
MF624286	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	United States
MF624287	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	United States
MF624288	<i>Solanum tuberosum</i>	2016	United States
MF624289	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	United States
MF624290	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	United States
MF624291	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	United States
MH006954	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Israel
MH006955	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Israel
MH006956	<i>Solanum tuberosum</i>	2015	Israel
U09509	<i>Solanum tuberosum</i>	Unknown	Canada